

## ЭТНОГЕНЕЗ КЫРГЫЗОВ: ГЕНЕТИЧЕСКИЕ И ИСТОРИЧЕСКИЕ АСПЕКТЫ

Айдаралиев А.А.

Восточный Университет имени Махмуда Кашигари  
г. Бишкек, Кыргызская Республика

**Резюме.** В статье приводятся результаты генетических и исторических исследований этногенеза кыргызов. Показано, что генофонд кыргызов частично сформирован 5-6 тысяч лет назад на Южном Алтае и Саянах. Представлена схема этногенеза кыргызов в различные исторические периоды, а также генеалогические схожести которые кыргызы имеют с другими народами. Информация приведенная в статье собрана с различных отечественных и иностранных историко-генеалогических источников.

**Ключевые слова:** этногенез, передвижение, генетика, история кыргызов

## КЫРГЫЗДАРДЫН ЭТНИКАЛЫК ГЕНЕАЛОГИЯСЫ (ЭТНОГЕНЕЗ): ГЕНЕТИКАЛЫК ЖАНА ТАРЫХЫЙ КӨЗ КАРАШТАР БАЯНДАМАСЫ

Айдаралиев А.А.

Махмуд Кашигари атындағы Чыгыш Университети  
Бишкек ш., Кыргыз Республикасы

**Резюме.** Илимий чыгарманың жыйынтығында кыргыз элинин келип чыгышынын генетикалық жана тарыхый көз караштары баяндалған. Кыргыз генефондунун мындан 5-6 мин жыл илгери аз-аздап Түштүк Алтайда жана Саяндарда келип чыгышы көрсөтүлгөн. Кыргыз элинин этникалык генеологиясынын түзмөгү ар кыл тарыхый доорлордо каралған.

**Негизги сөздөр:** этногенез (элдин чыгышы), генетика, кыргыздардың тарыхы.

## NAME OF THE ARTICLE – ETHNO GENESIS OF KYRGYZ PEOPLE: GENETIC AND HISTORICAL ASPECTS

Aidaraliev A.A.

East University named after Mahmud Kashgari  
Bishkek c., Kyrgyz Republic

**Resume.** The article presents the results of genetic and historical studies of ethno genesis of Kyrgyz people. It shows, that gene pool of Kyrgyz people is formed partially 5-6 thousand years ago in the Southern Altai and Sanai. The scheme of ethno genesis of Kyrgyz people in different years and their similarities with other nations is presented,. Information used in article, was completed from different domestic and foreign sources.

**Key words:** ethnogenesis, movement, genetics, history of Kyrgyz people.

Историю возникновения кыргызской цивилизации можно разделить на несколько периодов. 1) Древнейшее время, предистория, 2) древнее время, практистория, 3) средневековье, 4) новое время (период СССР и период независимого Кыргызстана).

В эпоху верхнего палеолита, мезолита, неолита, энеолита началось расселение людей из Африки. На сегодняшний день принятая теория моногенизма, согласно которой Homo sapiens это единственный вид человечества, зародившийся в Африке и начавший заселение просторов Европы и Азии.

Согласно последним достижениям науки о генах, человечество происходит от одной матери. Генетики также обнаружили, что на планете жил мужчина Y-хромосомный Адам, который приходится праотцом человечества. По данным [1] среди кыргызов примерно 50% являются носителями гаплогруппы R1a и являются потомками по мужской линии одного человека.

По данным [2] расселение людей на планете происходило в несколько этапов.

1. Из Африки в Азию-56000-73000 лет назад
2. Из Африки в Европу-39000-51000 лет назад
3. Из Азии в Америку- 7000-35000 лет назад

В работе [3] приводится схема массового передвижения народов в течении последних 4 тысяч лет до нашей эры. По его мнению переселение протекало в три потока и в разные стороны. Первый поток был

направлен в Америку через Берингов пролив, второй поток был направлен в Европу, а третий и самый основной в азиатскую часть континента.

Представляло интерес изучение истории переселения народов на основании генетических исследований. Поскольку все люди унаследовали генетический материал от общих предков, даже дальние родственники имеют сходные участки в своих ДНК, а у близких родственников совпадает еще больше информации. Таким образом, даже при том, что ДНК каждого человека в целом уникальна, среди потомков недавних общих предков можно найти сходную генетическую информацию.

При этом важно изучение гаплогрупп объединяющих людей одного гентотипа. По мнению [1] еще в 1960-е годы Нобелевский лауреат Л.Поллинг высказал идею, что скорость накопления мутаций достаточно постоянна; ее можно использовать как своего рода молекулярные часы эволюционной истории человека. Одним из наиболее информативных инструментов исследования структуры и генофонда человека стали маркеры митохондриальной ДНК(мит ДНК) и Y-хромосомы. Y-хромосома передается только по мужской линии от отца к сыну, у женщин в хромосомном наборе ее нет. Митохондриальная ДНК передается только в материнской яйцеклетке, то есть наследуется только от матери”.

Для решения вопросов об этногенезе кыргызов и его истории необходимо сравнение генетических маркеров

## ВОПРОСЫ ОРГАНИЗАЦИИ ЗДРАВООХРАНЕНИЯ

с народами Центральной Азии и Сибири. К настоящему времени имеется результат изучения полиморфизма Y-хромосомы в сибирских и центральноазиатских популяциях [4], [5], [6], [7].

По данным [1], анализ родоплеменного состава основных ветвей современных кыргызов- Он, Сол, Ичкилик свидетельствует о вкладе в этногенез кыргызов: 1) тюркоязычных племен, в свое время входивших в состав тюркского, уйгурского, карлукского, тюргешского каганатов; 2) южносибирских (Саяно-Алтай) племен, входивших в состав Кыргызского каганата; 3) племен монгольского и кыпчакского происхождения.

Им было показано, что почти 90% разнообразия Y-хромосомы у кыргызов приходится на 4 варианта C3c, R1a1a, N1b гаплогрупп. Причем были выявлены явные различия по гаплотипам между кыргызскими подразделениями Он Канат (Адыгене, Тагай) и Ичкилик (Теит, Кесек).

Различия в распространении гаплогрупп N1b и C3c у кыргызов позволили сделать заключение о существенных отличиях этногенеза кыргызов подразделений Ичкилик и Он канат. Данные [1] также свидетельствуют о вхождении в состав древнекыргызского племенного объединения Ичкилик, ранее обособленных племен, имеющих в числе своих предков сибирские народы угорского происхождения.

В генофонде кыргызов практически не встречается Восточно-Азиатская (Китай, Корея, Япония, Юго-Восточная Азия, Индокитай) гаплогруппа O, хотя она довольно широко представлена у казахов (21%) [4], [7]. Было показано, [1] что по Y-хромосоме наблюдаются выраженные различия между суб-популяциями (племенами) кыргызов, а для некоторых этих популяций их явное инородное происхождение [8]. Эти данные подтверждают выводы историков и этнографов, что в этногенезе кыргызов, на разных отрезках истории, принимали участие племена, не имевшие ничего общего в своем происхождении.

Таким образом современные кыргызы имеют гетерогенный генотип, свидетельствующий об их этногенезе из разноплеменного военно-политического союза, сложившегося примерно в 4-5 веках нашей эры в верховьях Енисея. В формировании кыргызского этноса принимали участие палеоевропеоидные племена, населявшие Южный Алтай, а именно сако-усуны и монголоидные хунно-сянбийские племена пришедшие с равнин Северного Китая. В ряде кыргызских племен ясно прослеживается генетическая связь с угро-финским населением Верховьев Енисея, которые в эпоху Пазыракской и Афанасьевской археологических культур составляли население Саян и Забайкалья.

По мнению [1] еще один существовавший компонент, принявший участие в этногенезе кыргызов, это тюрко-монгольские племена, известные как монголы которые, скорее всего, влились в состав кыргызов уже на Тянь-Шане. Эти же племена участвовали в этногенезе казахов, узбеков, каракалпаков определив генетическую близость кыргызов с этими народами.

Данные генетических исследований свидетельствуют о том, что генофонд кыргызов частично

сформировался 5-6 тысяч лет назад на Южном Алтае, а также на Саянах, и по линии праотцов несет характерные генетические признаки Южно-Сибирского и Восточно-Азиатского происхождения. Древние кыргызы не были полностью ассимилированы по отцовской линии, более многочисленными тюрко-монгольскими племенами, носителями Восточно-Азиатской гаплогруппы C3c, и сохраняли свою этническую идентичность со II века до нашей эры.

Гаплогруппы образовались, когда ни наций, ни религий, ни современных языков не было. Поскольку принадлежность к гаплогруппе определяется совершенно конкретными мутациями в определенных нуклеотидах и Y-хромосомой, то можно сказать, что каждый из нас носит определенную метку ДНК. Гаплогруппы навсегда привязывают носителя к определенному человеческому роду. Генотип-содержание наследуется от отца к сыну по Y-ДНК(XY-хромосоме). По материнской mt-ДНК(XX-хромосоме) передается фенотип-обличье.

В настоящее время на земном шаре имеется несколько рас:

Негроидная раса: А, В-африканцы, Е-банту (возраст-52 тысячи лет, Восточная Африка).

Афроазиаты: семиты J1-евреи и арабы Йемена-возраст 10 тысяч лет, по отцовской линии евреи происходят от арабов; арамейцы J2(возраст 18000 лет)-сирийцы, греки, итальянцы, турки, армяне, есть носители в Индии. Носители J1 и J2 обнаруживаются в русских, узбеках, таджиках Самарканда и Душанбе, в чувашах, адыгах, французах.

Евразиаты: северные I1 и южные I2 славяне, G-иранцы, кавказцы, осетины, аланы, адыги.

Скандинавы-R1a1(возраст 20 тысяч лет): шведы, норвежцы, поляки, русские, украинцы, кыргызы, таджики, индусы. Кельты - R1b французы, итальянцы, датчане, испанцы, немцы, англичане и т.д. (возраст 16 тысяч лет). Европейцы с генотипом K разбросаны по всему миру.

Монголоидная раса: О-китайцы: D-японцы: C3-казахи, калмыки, ойраты: C\*-монголы. Общий возраст-20 тысяч лет. PQR2-сводная неразделенная гаплогруппа.

Южносибирская раса N1c1: якуты, якутоязычные эвенки, чуваши, марийцы, коми, литовцы, латыши, эстонцы, саамы, финны. (возраст 10600 лет.)

Экваториальная раса- H, F\*, L., H1-цыгане.

Миграция носителей гаплогруппы Y-DNA из Европы в Азию и в Америку началась из Африки 170.000-130.000 лет назад, переход в Америку осуществлялся 20.000-13.000 лет назад (Sorenson Molecular Genealogy Foundation 2006).

Ареалом распространения гаплогруппы R1a является пространство от Исландии(викинги) до Индии (каста брахманов), при этом современный центр гаплогруппы находится на территории Польши.

ДНК-генеалогия установила, что кыргызы, русские, украинцы и скандинавы имеют генотип R1a1, но говорят на разных языках и разбросаны в различные веры.

Гаплогруппа R1a встречается с частотой 64% у таджиков, 63,5% у кыргызов, 60% у венгров, 56,4% у поляков, 54% у украинцев и 47% среди русских. Гаплогруппа R1a с более низкой частотой встречается у

# ВОПРОСЫ ОРГАНИЗАЦИИ ЗДРАВООХРАНЕНИЯ

Этнос, ареал, расселение		Биосоциальная комплексная система										Религия							
		Условная типология общностей		Хроно-логия															
Гэ-Гунь Гян-Гунь Хирхиз Диньлинь (Минусинская котловина, Алтай)	Кыргызы (Средняя Азия)	Культурно-исторический период		Общеисторическая		Лингвистическая		Этническая		Антропологическая		Ислам, христианство, иудаизм							
		1	A	12	Нашей эры	11	10	9	8	7	6								
		До нашей эры		Современность (XX в.)		Новое время (XVII-XIX вв.)		Позднее средневековье (XII-XVI вв.)		Среднее средневековье (VI-XII вв.)									
		1		Ранее средневековье (II в до н.э. – V в н.э.)		Ранний железный век (VII – III вв. до н.э.)		Бронзовый век (XVI – IX вв. до н.э.)		Энеолит									
		2		Мезолит		Нижний палеолит		Верхний палеолит		Древняя									
		3		Древнейшая		Средневековая		Новое время		Индоевропейская									
		4		Индоиранская		Протопорурская		Тюркская		Кыргызская									
		5		Индираанская		Тюркская		Кыргызская		Түркестан									
		6		Протоевропейская		Индоиранская		Тюркская		Кыргызская									
		7		Несторианско-		Тюркская		Кыргызская		Солнцепоклонство									
Протоевропеидная		Европеоидная		Европеоидно-монголоидная		Монголоидная-европеоидная		Генетическая среда		Группа С3с, R1a1 N1b									
700-400 тыс.		200-50 тыс.		40-10 тыс.		8-ое тыс.		4-ое тыс.		2-ое тыс.		1-ое тыс.		1-ое тысячелетие		2-ое тысячелетие		Хроно-логия	

**Схема 1 . Этногенез и религиозные верования кыргызов**

македонцев – 15,2% , болгар-14,7% и сербов-12,1%.

Анализируя аутосомальные исследования можно констатировать, что геномный набор кыргызов включает в себя гаплогруппы: индоевропейцев до 41%, азиатов до 65%, африканцев до 7% и американских индейцев до 8%. Акеров Т.(2014).

В частности генетическое тестирование аутосомальной ДНК жителя Кыргызстана (Б-в) проведенные [9] обнаружило у него 48% восточно-азиатской аутосомальной ДНК, 41% европейской, 6% американских индейцев и 5% субсахарской.

Специалисты фонда выявили, что генетически близкая к обследуемому(Б-в) популяция американских индейцев проживают в штате Нью-Гэмпшир, США.

Из исторических источников известно, что первые упоминания о кыргызах имеются в китайских источниках и относятся в 201 году до нашей эры [10] Это был период когда государство гуннов во главе с Маодунем покорило земли хуньюев, цюйше, динлинов, гэгуней и синьли. Из покоренных гуннами народов, историки знают только о двух, судьба которых в будущем переплетется, это предки кыргызов - динлины и гэгуни. В 700 году кыргызы построили свое первое государство на Енисее, началось кыргызское великороджавие.

В свое время [11] составил панорамную историю казахского народа и Казахстана, представив основные естественно-исторические периоды, этнолингвистические и антропологические аспекты .

Представило интерес сопоставление истории развития кыргызской цивилизации с возникновением религиозных верований. На схеме 1 представлено развитие кыргызской цивилизации и религиозных верований. Из схемы следует, что в период предистории у древних народов преобладали анимизм и солнцепоклонство с последующим переходом в тенгрианство, шаманизм, ислам и т.д. Данная схема показывает историю этногенеза кыргызов с учетом общеисторических, лингвистических, этнических, антропологических и генетических параметров.

К сожалению, изучение происхождения и этногенеза кыргызов является сложным процессом, так как большинство архивных материалов находится вне Кыргызстана. В частности [12], считает что «вопрос этногенеза кыргызов довольно таки запутанный и на сегодняшний день окончательной и общепризнанной

теории нет. Споры по вопросу истории кыргызов продолжаются второе столетие; единственное, в чем никто не сомневается, так это в том, что кыргызский народ является одним из самых древних народов Средней Азии». Несмотря на то, что кыргызы имеют древнюю историю в связи с кочевым образом жизни, осталось мало письменных сведений и документальных свидетельств об этом.

Таким образом сопоставление генетических и исторических компонентов происхождения кыргызов подтверждает данные ряда авторов о том, что кыргызы являются одним из самых древних народов Центральной Азии.

### Литература:

1. Алдашев А.А. Генетическая история этногенез кыргызов// Вестник КГНУ им. Ж. Баласагына 2011, выпуск №5, с- 7-12
2. Янковский Н.К., Беринская С.А. „, Наша история , записанная в ДНК. Журнал „Природа” М 2004 ,6,7-12
3. Омурзаков С. “История кыргызов и кыргызстана” КГЮА. Бишкек, 2012, 302 с.
4. Степанов В.А. Эволюция и филогеография линий Y-хромосомы человека// Вестник ВОГиС М. 2006, №10, с 57-74
5. T. Zerjal. A genetic landscape reshaped by recent events: Y chromosomal insights into Central Asia. Am J Hum Genetics. 2002/71, p. 466-482
6. PA Underhill et al., Separating the post-Glacial coancestry of European and Asian Y chromosomes within haplogroup R1a/ Eur J Hum Genetics. 2010/№18 (4), p.476-484
7. Балаганская О.А. Полиморфизм Y-хромосом у тюркоязычного населения Алтая- Саян, Тань Шаня и Памира в контексте взаимодействия генофондов Западной и Восточной Евразии// Медицинская генетика , М, 2011, № 10(3), с 12-22
8. Heyer M. Genetic diversity and the emergence of ethnic groups in Central Asia// BMC Genetics, 2009, №10, с 49-57
9. Report Sorenson Molecular Genealogy Foundation. Salt Lake City 2006, 32 p.
10. Акеров Т. А. „, Кыргызы: Этногенез и История”// НАН КР.Бишкек 2014 г, 355 с.
11. Омаров Е.С. По следам Кашигарской цивилизации, Сб: Современная цивилизация и национальные государства Алматы, 2008, с 83-93
12. Дарда С. www.belfofpeace.com 2000